

Diagnóstico

Método de obtención de datos para predecir la respuesta al tratamiento antiviral en pacientes de Hepatitis C

Un grupo de investigación del Sistema Sanitario Público de Andalucía ha desarrollado un método de obtención datos útiles para predecir o pronosticar la respuesta a inhibidores de la proteasa NS3/4a, preferiblemente simeprevir, de pacientes con hepatitis C crónica de genotipo 1a.

Oficina de
**TRANSFERENCIA
DE TECNOLOGÍA**
Sistema Sanitario Público de Andalucía



Descripción

El virus de la hepatitis C (VHC) es una de las causas más frecuentes de hepatitis viral crónica, cirrosis hepática y carcinoma hepatocelular, siendo la indicación más común para el trasplante hepático.

Los investigadores han estudiado un grupo de inhibidores directos (inhibidores de la proteasa NS3/4a), preferiblemente simeprevir, y su relación con la ausencia del polimorfismo Q80K.



Ventajas

Se han estudiado un total de 132 pacientes con genotipo 1a y se ha utilizado un panel de validación proporcionado por investigadores de la Universidad de Colonia (Alemania).

Se dispone de un método sencillo, rápido y seguro, basado en la inmovilización de sondas de nucleótidos en matrices sólidas (microarrays).



Propiedad Industrial/Intelectual

Esta tecnología está protegida por patente.



Objetivos

El grupo de investigación busca un acuerdo de licencia de explotación y/o colaboración.



Clasificación

Área: Diagnóstico

Tecnología: Kit/Microarray

Patología: Hepatitis C