



Diagnóstico

Polimorfismos para predecir o pronosticar la respuesta al tratamiento antiviral

Un grupo de investigación del Sistema Sanitario Público de Andalucía ha desarrollado un método de obtención de datos útiles para predecir o pronosticar la respuesta al tratamiento con interferón pegilado más ribavirina en pacientes con hepatitis crónica C genotipo 1.

Oficina de
**TRANSFERENCIA
DE TECNOLOGÍA**
Sistema Sanitario Público de Andalucía



Descripción

El virus de la hepatitis C (VHC) es una de las causas más frecuentes de hepatitis viral crónica, cirrosis hepática y carcinoma hepatocelular, siendo la indicación más común para el trasplante hepático.

Los investigadores han localizado una serie de mutaciones que son útiles para determinar la respuesta al tratamiento antiviral con interferón pegilado más ribavirina en individuos con hepatitis crónica C genotipo 1.

Esta investigación puede usarse en la predicción o pronóstico de la no-RVS en pacientes con VHC.



Propiedad Industrial/Intelectual

Esta tecnología está protegida por patente.



Objetivos

El grupo de investigación busca un acuerdo de licencia de explotación y/o colaboración.



Ventajas

Se han incluido en el estudio evolutivo de mutaciones en el VHC un total de 70 pacientes clasificados según el tipo de respuesta virológica, que recibieron dos o más ciclos de tratamiento (en total son 171 tratamientos) y fueron seguidos desde el año 1991 hasta la actualidad.

Los datos demuestran la efectividad de los resultados como diagnóstico de respuesta al tratamiento con interferón.



Clasificación

Área: Diagnóstico
Tecnología: Kit
Patología: Hepatitis-C